1.BobrovskiyPA2019\_suplementary\_table1.docx Table with oligonucleotides sequences used in the study. Таблица с последовательностями олигонуклеотидов, использованных в работе.

2.BobrovskiyPA2019\_suplementary\_table2.docx Table with the list of all differentially expressed genes obtained after differential expression analysis which differ from control 3 times and more. Таблица со списком всех дифференциально экспрессирующихся генов, полученных в результате анализа по поиску дифференциально экспрессирующихся генов, отличающихся от контроля в 3 раза и более.

3.BobrovkiyPA2019\_suplementary\_figure1.docx Histograms of GO terms with number of genes in each of three categories: biological process, cellular component, molecular function for two time points: 1h and 72h postinfection of C.trachomatis. Гистограммы компонентов в терминах генной онтологии с количеством генов для каждой из трех категорий: биологический процесс, клеточный компонент, молекулярная функция для двух временных точек: 1 час и 72 часа после заражения C.trachomatis.